



FOTO ANNA SELBERG

”Målet är att förbättra vår förmåga att förstå genetiken bakom höftledsdysplasi”

Hej Maja Arendt! Du har fått medel för att kunna forska på höftledsdysplasi hos hund. Berätta lite mer!

– Projektet går ut på att undersöka vilka regioner i hundens DNA som kan förklara ärftligheten av höftledsdysplasi, HD. Vi hoppas att man i framtiden ska kunna använda genetisk prövning som ett verktyg för att bedöma vilka hundar som bär på ärftliga faktorer. Förhoppningsvis ska det – kombinerat med de verktyg som finns i dag – kunna resultera i bättre avel och screening.

– Det var lite av en slump att jag fick idén till projektet. Jag jobbade på ett genetikprojekt på hundar med juvertumörer och ville kolla upp om det fanns information kring hundarnas färger i SKKs register. Då upptäckte jag att där finns resultat från höftledsdysplasi-screeningsröntgen från många av de hundar som vi har med i våra projekt. Vi har dessutom fått tillgång till vikt på hundarna vid HD-röntgen och har därför också kunnat titta på den genetiska kopplingen till den.

– Jag gillar projektet eftersom det är baserat på befintliga data som analyseras i en ny kontext. Därför är projektet väldigt hållbart och visar hur man kan dra nytta av att kombinera genetiska data med systematiskt insamlade data från Kennelklubben.

– Vi har redan publicerat en studie där vi har tittat på genetiska riskfaktorer för höftledsdysplasi hos labrador retriever. I studien, som publicerades 2024, hittade vi både regioner i genomet som är associerade med HD och separata regioner associerade med ökad vikt.

Hur kommer den nya studien att gå till?

– Vi kommer att titta på andra raser, speciellt engelsk springer spaniel och tysk schäferhund, eftersom det är några av de raser som vi har mycket data från. Vi har samlat genetiska data från runt 2 500 hundar. Av dessa har vi HD score från runt 1 600 hundar fördelat på 10 raser. Vi kommer dessutom att göra en översikt över publicerade genetiska associationsdata på olika hundraser. Detta för att kunna göra utvärdering av vilka genetiska regioner som har förknippats med HD i tidigare studier och kolla hur fördelningen av befintliga riskvarianter är i vår population.

Vad är målet med studien?

– Vårt mål är att förbättra vår förmåga att förstå genetiken bakom HD och i bästa fall hitta genvarianter som i framtiden kan förutse utvecklingen av HD inom några hundraser. HD är komplext i och med att också miljö påverkar sjukdomen, och förmodligen finns det flera genetiska varianter, som påverkar om en hund utvecklar HD. Därför är det viktigt att man gör sin forskning systematiskt och inte drar fel slutsatser.